

**KONKURS ICHB PAN NR 16/2023/SN  
NA STANOWISKO ADIUNKTA (STANOWISKO TYPU POST-DOC)**

INSTYTUCJA:	Instytut Chemii Bioorganicznej Polskiej Akademii Nauk, Zakład Genetyki Molekularnej
MIASTO:	Poznań
RODZAJ STANOWISKA:	adiunkt (post-doc)
LICZBA STANOWISK:	1
DYSCYPLINA NAUKOWA:	nauki biologiczne
DATA OGŁOSZENIA:	<b>23.10.2023 r.</b>
TERMIN SKŁADANIA OFERT:	<b>30.11.2023 r.</b>
LINK DO STRONY:	<a href="https://portal.ibch.poznan.pl">https://portal.ibch.poznan.pl</a>

**SŁOWA KLUCZOWE: nowotwory, genetyka, sekwencje niekodujące**

**Kierownik projektu:** prof. dr hab. Piotr Kozłowski

**Tematyka badawcza:**

Nowotwory obejmują szeroką gamę różnorodnych chorób, których rozwój (inicjacja, rozrost i ułośliwienie) związane są z gromadzeniem w genomie nowotworowym ogromnej liczby somatycznych zmian (mutacji), które są cechą charakterystyczną wszystkich nowotworów. Liczne duże projekty sekwencjonowania genomu nowotworowego (głównie sekwencjonowania całego genomu lub całego eksomu) doprowadziły do zidentyfikowania setek genów i tysięcy mutacji napędzających rozwój nowotworów. Niektóre z tych genów czy mutacji, tj. np. EGFR, BRAF czy JAK2 wykorzystuje się jako specyficzne biomarkery pozwalające na zastosowanie celowanych terapii. Jednak, jako że niemal wszystkie projekty analizy genomu nowotworowego koncentrowały się na sekwencjach genów kodujących białko ogromna większość dotychczas wykrytych funkcjonalnych mutacji napędzających rozwój nowotworu została zidentyfikowana w sekwencjach kodujących, łącznie stanowiących zaledwie 2% całego genomu. Dotychczas jednak bardzo niewiele wiadomo (prawie nic) na temat somatycznych mutacji nowotworowych występujących na ogromnym obszarze niekodującej części genomu. Dlatego w tym projekcie chcemy podjąć się weryfikacji hipotezy zakładającej, że w niekodującym genomie znajduje się duża liczba mutacji napędzających nowotworzenie. W ramach projektu, w dużej liczbie próbek nowotworowych, głównie próbek raka płuca, będziemy poszukiwali i charakteryzowali mutacje somatyczne w regionach nieulegających translacji (5'UTRs, 3'UTRs i sekwencji intronowych) genów kodujących białka oraz w genach długich niekodujących RNA (lncRNAs). Część z tych mutacji, w przyszłości, może zostać wykorzystana jako biomarkery nowotworów albo nawet cele terapii.

Oferujemy pracę na stanowisku adiunkta (post-doc) w ramach realizacji projektu **OPUS 20 nr 2020/39/B/NZ5/01970 pt. „Identyfikacja mutacji aktywujących raka w niekodujących częściach genów kodujących białka i w genach niekodujących RNA”**, finansowanego ze środków Narodowego Centrum Nauki.

**Opis projektu**

Głównym celem projektu jest identyfikacja i charakterystyka funkcjonalna mutacji somatycznych w niekodujących częściach genów, tj. w regionach nie ulegających translacji (5'UTR i 3'UTR) oraz

fragmentach intronów, jak również w wybranych długich niekodujących RNA (lncRNA). Wyjściowym źródłem danych dla projektu będzie rozszerzone sekwencjonowanie eksomu raka oraz referencyjnej tkanki normalnej, jak również dane genomowe generowane w ramach projektów zewnętrznych, np. tj. The Cancer Genome Atlas (TCGA).

Instytut Chemii Bioorganicznej PAN (ICHB PAN) jest jedną z wiodących jednostek naukowych w dziedzinie chemii, biologii molekularnej i biomedycyny w Polsce (liczba i jakość publikacji naukowych i zdobywanych grantów). Praca będzie wykonywana w młodym, dynamicznym zespole, dającym możliwość dobrego publikowania swoich wyników. Praca w projekcie daje dużą szansę na rozwój i zdobycie dalszego doświadczenia w dziedzinie genetyki i bioinformatyki oraz dostęp do najnowszych technologii. Praca oraz doświadczenie zdobyte w ICHB PAN, jak i w zespole, w którym wykonywany będzie projekt, daje bardzo dobre podstawy do aplikowania w przyszłości o różnego typu granty czy kolejne samodzielne pozycje i stopnie naukowe.

### **I. Warunki, jakie powinien spełniać Kandydat:**

1. Stopień naukowy doktora (lub równoważnik) w dziedzinie biologii molekularnej, bioinformatyki, biotechnologii, biochemii, medycyny lub pokrewnej.\*
2. Udokumentowany dorobek naukowy w formie publikacji w rozpoznawalnych czasopismach naukowych (z bazy Web of Science, w tym pierwszoautorskich).
3. Doświadczenie w dziedzinie genetyki molekularnej nowotworów i/lub bioinformatyki i/lub biostatystyki, ewentualnie w innych obszarach genetyki człowieka i biologii molekularnej.
4. Silna motywacja do pracy i zaangażowanie w realizację projektu.
5. Gotowość do samodzielnej pracy i samodzielnego rozwiązywania problemów.
6. Znajomość języka angielskiego umożliwiającą sprawną komunikację oraz opracowanie publikacji.

\*Zgodnie z wymogami NCN przyjęta może zostać tylko osoba, która uzyskała stopień naukowy doktora nie wcześniej niż 7 lat przed rokiem zatrudnienia w projekcie. Okres ten może być przedłużony o czas przebywania w tym okresie na długoterminowych (powyżej 90 dni) udokumentowanych zasiłkach chorobowych lub świadczeniach rehabilitacyjnych w związku z niezdolnością do pracy. Dodatkowo do tego okresu można doliczyć liczbę miesięcy przebywania na urloпах związanych z opieką i wychowaniem dzieci udzielanych na zasadach określonych w Kodeksie pracy, a w przypadku kobiet –18 miesięcy za każde urodzone bądź przysposobione dziecko, jeżeli taki sposób wskazania przerw w karierze naukowej jest bardziej korzystny.

Zgodnie z wymogami NCN przyjęta może zostać tylko osoba, która uzyskała stopień naukowy doktora w podmiocie innym niż Instytut Chemii Bioorganicznej PAN

Oferta kierowana jest do doświadczonych pracowników naukowych posiadających co najmniej stopień doktora, do realizacji badań z zakresu genetyki, ze szczególnym uwzględnieniem genetyki nowotworów. Stanowisko dedykowane jest szczególnie dla osoby posiadającej bogate doświadczenie w dziedzinie genetyki, w szczególności genetyki nowotworów i/lub bioinformatyki i analizy danych NGS (ang. Next-Generation Sequencing).

### **II. Zakres obowiązków w projekcie:**

1. Planowanie i prowadzenie eksperymentów.
2. Analiza i interpretacja danych.
3. Przygotowywanie i pomoc w przygotowywaniu manuskryptów.
4. Krytyczne czytanie literatury.

5. Prezentowanie wyników na seminariach i spotkaniach naukowych.
6. Opieka nad studentami.

### III. Wymagane dokumenty:

1. Podanie do Dyrektora ICHB PAN.
2. CV z informacją o dorobku naukowym, z uwzględnieniem: listy publikacji opublikowanych w czasopiśmie z bazy danych Web of Science (WoS), z podaniem IF wg WoS, liczby ich cytowań i indeksu Hirscha.

Dodatkowo, w zależności od dorobku kandydata, aplikacja może zawierać:

- listę dodatkowych publikacji,
  - listę patentów,
  - informację o kierowaniu lub udziale w projektach badawczych,
  - informację o odbytych stażach naukowych,
  - informację o uzyskanych nagrodach i wyróżnieniach.
3. Kopię dyplomu potwierdzającego uzyskanie stopnia doktora.
  4. Preferowane dane kontaktowe pracowników naukowych mogących wystawić referencje.

### IV. Zgłoszenie na konkurs należy złożyć za pośrednictwem portalu eRecruiter pod adresem:

<https://system.erecruiter.pl/FormTemplates/RecruitmentForm.aspx?WebID=16a90b96dd9f4689929d9842d4c31c1d>

### V. Termin składania dokumentów upływa **30.11.2023 r.**

**VI.** Po przeprowadzeniu wstępnej weryfikacji na podstawie przesłanych dokumentów wybrani kandydaci mogą być zaproszeni na rozmowę kwalifikacyjną, w wyniku której wyłoniona zostanie osoba rekomendowana do zatrudnienia. Głównymi kryteriami, które będą brane pod uwagę przy selekcji kandydatów będą: (i) dorobek naukowy (publikacje), (ii) kompatybilność dotychczasowego doświadczenia z planowanymi w ramach projektu zadaniami badawczymi (albo w zakresie genetyka, choroby nowotworowe, inne doświadczenie w biologii molekularnej/biotechnologii albo w obszarze biologii/genetyki obliczeniowej), (iii) doświadczenie zdobyte na długoterminowym stażu zagranicznym.

### VII. Konkurs zostanie rozstrzygnięty najpóźniej do dnia **10.12.2023 r.**

### VIII. Zatrudnienie odbędzie się zgodnie z przepisami Kodeksu Pracy.

Pozycja dostępna od zaraz (w zależności od rozstrzygnięcia konkursu). Pozycja na okres 15 miesięcy z możliwością przedłużenia. Przewidziane wynagrodzenie wynosi orientacyjnie ok. 8 150 zł brutto/miesięcznie.

Dodatkowych informacji może udzielić:

Prof. dr hab. Piotr Kozłowski  
Zakład Genetyki Molekularnej  
Instytut Chemii Bioorganicznej PAN  
ul. Zygmunta Noskowskiego 12/14  
61-704 Poznań  
Telefon: +48 605 604 044 lub +48 61 852 85 03 wew. 1261  
e-mail: [kozlowp@yahoo.com](mailto:kozlowp@yahoo.com) (preferowany) lub [kozlowp@ibch.poznan.pl](mailto:kozlowp@ibch.poznan.pl)

## **Klauzula informacyjna:**

Zgodnie z treścią art. 13 rozporządzenia Parlamentu Europejskiego i Rady (UE) 2016/679 z dnia 27 kwietnia 2016 r. w sprawie ochrony osób fizycznych w związku z przetwarzaniem danych osobowych i w sprawie swobodnego przepływu takich danych oraz uchylenia dyrektywy 95/46/WE (ogólne rozporządzenie o ochronie danych), zwanego dalej RODO, informujemy, że:

1. Administratorem zebranych danych osobowych jest Instytut Chemii Bioorganicznej Polskiej Akademii Nauk w Poznaniu adres: ul. Z. Noskowskiego 12/14, 61-704 Poznań; REGON 000849327 NIP 777-00-02-062 (zwanego w dalszej części Instytutem).
2. Administrator wyznaczył Inspektora Ochrony Danych, z którym można się kontaktować pisemnie, za pomocą poczty tradycyjnej pisząc na adres: Inspektor Ochrony Danych, Z. Noskowskiego 12/14, 61-704 Poznań lub wysyłając e-mail na adres: [dpo@ibch.poznan.pl](mailto:dpo@ibch.poznan.pl)
3. Dane osobowe przetwarzane są w celu realizacji zadań administratora związanych z przeprowadzeniem rekrutacji na wolne stanowisko.
4. Podstawą prawną przetwarzania danych stanowi ustawa z dnia 26 czerwca 1974 roku – Kodeks pracy, ustawa z dnia 30 kwietnia 2010 roku o Polskiej Akademii Nauk lub zgoda osoby, której dane dotyczą.
5. Państwa dane zgromadzone w obecnym procesie rekrutacyjnym będą przechowywane przez okres 3 miesięcy od momentu rozstrzygnięcia procesu rekrutacji. Po tym okresie dane osobowe zostaną skutecznie zniszczone.
6. Państwa dane osobowe nie będą przekazywane do kraju trzeciego.
7. Osobie, której dane są przetwarzane przysługuje prawo:
  - dostępu do treści swoich danych osobowych, żądania ich sprostowania lub usunięcia, na zasadach określonych w art. 15 – 17 RODO;
  - ograniczenia przetwarzania danych, w przypadkach określonych w art. 18 RODO;
  - przenoszenia danych, na zasadach określonych w art. 20 RODO;
  - cofnięcia zgody w dowolnym momencie bez wpływu na zgodność z prawem przetwarzania, którego dokonano na podstawie zgody przed jej cofnięciem;
  - wniesienia skargi do Prezesa Urzędu Ochrony Danych Osobowych.

Podanie danych osobowych w zakresie wynikającym z art. 22(1) ustawy z dnia 26 czerwca 1974 r. – Kodeks pracy, jest obowiązkowe, podanie danych w zakresie szerszym jest dobrowolne i wymaga wyrażenia zgody na ich przetwarzanie.