

**KONKURS ICHB PAN NR 11/2024/SN
NA STANOWISKO ADIUNKTA (STANOWISKO TYPU POST-DOC)**

INSTYTUCJA: Instytut Chemii Bioorganicznej
Polskiej Akademii Nauk,
Zakład Genetyki Nowotworów
MIASTO: Poznań
RODZAJ STANOWISKA: adiunkt (post-doc)
LICZBA STANOWISK: 1
DYSCYPLINA NAUKOWA: nauki biologiczne
DATA OGŁOSZENIA: **06.05.2024 r.**
TERMIN SKŁADANIA OFERT: **10.06.2024 r.**
LINK DO STRONY: <https://portal.ibch.poznan.pl>

SŁOWA KLUCZOWE: genetyka człowieka, zespół Birt-Hogg-Dubé, stwardnienie guzowate, dziedziczna mięśniakowatość gładkokomórkowa z rakiem nerkowokomórkowym, ultraczułe sekwencjonowanie następnej generacji, mutacje somatyczne, guzy skóry, torbiele w płucach

Kierownik projektu: dr Katarzyna Klonowska

Tematyka badawcza:

Oferujemy pracę na stanowisku adiunkta (post-doc) w ramach realizacji projektu **OPUS 25** (2023/49/B/NZ5/03438) pt. „*Ultraczułe profilowanie mutacji napędzających nowotworzenie w dziedzicznych zespołach związanych z inaktywacją genów supresorowych*”, finansowanego ze środków Narodowego Centrum Nauki.

Zespół Birt-Hogg-Dubé (BHD) to jeden z dziedzicznych zespołów związanych z inaktywacją genów supresorowych, czyli genów, które pomagają chronić komórki naszego ciała przed nowotworzeniem. Gen supresorowy folikuliny (*FLCN*) jest kluczowym genem w patogenezie BHD. Osoby z zespołem BHD są nosicielami guzów w kilku organach, w tym w skórze i nerkach, oraz torbieli w płucach. **Istnieje założenie, że rozwój guzów skóry oraz torbieli w płucach związanych z BHD, jest związany z występowaniem mutacji somatycznych (mutacji ‘drugiego uderzenia’) w *FLCN*, jednak genetyczny patomechanizm ich rozwoju nie został dotąd poznany.** Zespół BHD wykazuje podobieństwo do zespołu stwardnienia guzowatego (TSC), w którym występowanie guzów związane jest z mutacjami somatycznymi w genach supresorowych *TSC1* oraz *TSC2*. W ostatnim czasie opracowaliśmy nową metodę (tj. **metodę ‘MHPA’**) do **ultraczułego wykrywania mutacji somatycznych**. Z użyciem niniejszej metody, przeprowadziliśmy analizę mutacji somatycznych w próbkach skóry twarzy od pacjentów z TSC. Analiza ta doprowadziła do odkrycia, że promieniowanie UV światła słonecznego generuje liczne mutacje somatyczne w genie *TSC2* w skórze twarzy, co prowadzi do powstania >10,000 guzów skóry twarzy u większości pacjentów z TSC.

Ze względu na występowanie licznych guzów skóry w częściach ciała ekspozowanych na światło słoneczne u pacjentów z BHD, nasza hipoteza zakłada, że **promieniowanie UV światła słonecznego prowadzi do występowania mutacji w genie *FLCN* w guzach skóry w BHD**. W niniejszym projekcie planujemy wykorzystanie nowo opracowanej metody MHPA do analizy *FLCN* w dużym panelu próbek guzów skóry od pacjentów z BHD. Potwierdzenie naszej hipotezy pozwoliłoby na **dostarczenie całkowicie nowych obserwacji określających proces rozwoju guzów skóry w BHD**. Planujemy również zastosowanie metody MHPA do ultraczułej analizy dużego zbioru próbek płuca od pacjentów z BHD.

Dodatkowo, w ramach projektu, planujemy również przeprowadzić **ultraczułe profilowanie mutacji w skórze w innych zespołach związanych z inaktywacją genów supresorowych, tj. TSC oraz**

dziedziczną mięśniakowatością gładkokomórkową z rakiem nerkowokomórkowym (HLRCC). Przeprowadzone analizy pozwolą na **poszerzenie wiedzy na temat obecnie nierozpoznanego spektrum mutacji somatycznych oraz genetycznych patomechanizmów** dla niniejszych dwóch dodatkowych zespołów związanych z inaktywacją genów supresorowych, oraz umożliwią porównanie wyników dla wszystkich trzech zespołów analizowanych w projekcie.

Dodatkowo, z użyciem naszych wyników oraz opublikowanych wcześniej danych, stworzymy **catalog mutacji somatycznych oraz genów powtarzalnie mutowanych w skórze ‘normalnej’, łagodnych guzów skóry** (takich jak guzy obserwowane w BHD, TSC i HLRCC), oraz **złośliwych guzów skóry** (takich jak rak podstawnokomórkowy skóry, rak płaskonabłonkowy skóry, oraz czerniak).

Instytut Chemii Bioorganicznej PAN (ICHB PAN), w którym zostanie zrealizowany niniejszy projekt, jest **jedną z wiodących jednostek naukowych w dziedzinie chemii, biologii molekularnej i biomedycyny w Polsce** (po względem liczby i jakości publikacji naukowych i zdobywanych grantów). Praca będzie wykonywana w **młodym, dynamicznym zespole**, dającym możliwość dobrego publikowania swoich wyników. Praca w projekcie daje dużą szansę na rozwój i zdobycie dalszego doświadczenia w dziedzinie genetyki człowieka i bioinformatyki oraz dostęp do najnowszych technologii. Praca i doświadczenie zdobyte w ICHB PAN, jak i w zespole, w którym wykonywany będzie projekt, dają **bardzo dobre podstawy do aplikowania w przyszłości o różnego typu granty i stypendia.**

I. Warunki, jakie powinien spełniać Kandydat:

1. Stopień naukowy doktora w dziedzinie biologii molekularnej, bioinformatyki, biotechnologii, biochemii lub pokrewnej*
2. Udokumentowany dorobek naukowy w formie współautorstwa w publikacjach w rozpoznawalnych czasopismach naukowych (z bazy Web of Science, w tym pierwszoautorskich).
3. Doświadczenie w dziedzinie genetyki człowieka i/lub genetyki molekularnej nowotworów i/lub bioinformatyki i/lub biostatystyki, ewentualnie w innych obszarach biologii molekularnej. Doświadczenie w pracy z R i Python będą dodatkowym atutem.
4. Gotowość do aktywnego poszerzania swojej wiedzy i umiejętności.
5. Silna motywacja do pracy i zaangażowanie w realizację projektu.
6. Umiejętność samodzielnej pracy i samodzielnego rozwiązywania problemów, jak również przystosowanie do pracy zespołowej.
7. Znajomość języka angielskiego w mowie i piśmie, umożliwiającą sprawną komunikację oraz opracowanie publikacji.

*Zgodnie z wymogami NCN przyjęta może zostać tylko osoba, która **uzyskała stopień naukowy doktora w roku zatrudnienia w projekcie lub w okresie 7 lat przed 1 stycznia roku zatrudnienia w projekcie** (W przypadku osób, które uzyskały więcej niż jeden stopień doktora, datą odniesienia jest data uzyskania pierwszego z nich). Okres ten może być przedłużony o czas przebywania w tym okresie na długoterminowych (powyżej 90 dni) udokumentowanych zasiłkach chorobowych lub świadczeniach rehabilitacyjnych w związku z niezdolnością do pracy. Dodatkowo okres ten można przedłużyć o liczbę miesięcy przebywania na urloпах związanych z opieką i wychowaniem dzieci udzielanych na zasadach określonych w Kodeksie pracy a w przypadku kobiet zamierzających przystąpić do konkursu – o 18 miesięcy za każde urodzone bądź przysposobione dziecko, jeżeli taki sposób wskazania przerw w karierze naukowej jest bardziej korzystny.

Ponadto przyjęta może zostać wyłącznie osoba, która (i) uzyskała stopień doktora w jednostce innej niż Instytut Chemii Bioorganicznej PAN, lub (ii) uzyskała stopień doktora w Instytucie Chemii Bioorganicznej PAN, jednak dodatkowo odbyła co najmniej 10-miesięczny, zagraniczny ciągły i udokumentowany staż podoktorski w podmiocie innym niż ICHB PAN.

Oferta kierowana jest do doświadczonych pracowników naukowych posiadających co najmniej stopień doktora, do realizacji badań z zakresu genetyki człowieka. Stanowisko dedykowane jest szczególnie dla

osoby posiadającej bogate doświadczenie w dziedzinie genetyki, w szczególności genetyki nowotworów i/lub bioinformatyki i analizy danych NGS (ang. Next-Generation Sequencing).

II. Zakres obowiązków w projekcie:

1. Planowanie i prowadzenie eksperymentów oraz opracowywanie i interpretacja wyników.
2. Analiza danych sekwencjonowania następnej generacji oraz analiza statystyczna.
3. Przygotowywanie i pomoc w przygotowywaniu manuskryptów.
4. Krytyczne czytanie literatury.
5. Prezentowanie wyników na seminariach i spotkaniach naukowych.
6. Opieka nad studentami.

III. Wymagane dokumenty:

1. Podanie do Dyrektora ICHB PAN.
2. CV z informacją o dorobku naukowym, z uwzględnieniem: listy publikacji opublikowanych w czasopiśmie z bazy danych Web of Science (WoS), z podaniem IF wg WoS, liczby ich cytowań i indeksu Hirscha.

Dodatkowo, w zależności od dorobku kandydata, aplikacja może zawierać:

- listę dodatkowych publikacji,
- listę patentów,
- informację o kierowaniu lub udziale w projektach badawczych,
- informację o odbytych stażach naukowych,
- informację o uzyskanych nagrodach i wyróżnieniach.

3. Kopię dyplomu potwierdzającego uzyskanie stopnia doktora.
4. Preferowane dane kontaktowe pracowników naukowych mogących wystawić referencje.

IV. Zgłoszenie na konkurs należy złożyć za pośrednictwem portalu eRecruiter pod adresem:

<https://system.erecruiter.pl/FormTemplates/RecruitmentForm.aspx?WebID=0e967e87169948318c2a16aa17e4a321>

V. Termin składania dokumentów upływa **10.06.2024 r.**

VI. Po przeprowadzeniu wstępnej weryfikacji na podstawie przesłanych dokumentów wybrani kandydaci mogą być zaproszeni na rozmowę kwalifikacyjną, w wyniku której wyłoniona zostanie osoba rekomendowana do zatrudnienia. Głównymi kryteriami, które będą brane pod uwagę przy selekcji kandydatów będą: (i) dorobek naukowy (publikacje), (ii) kompatybilność dotychczasowego doświadczenia z planowanymi w ramach projektu zadaniami badawczymi (albo w zakresie genetyka, choroby nowotworowe, inne doświadczenie w biologii molekularnej/biotechnologii albo w obszarze biologii/genetyki obliczeniowej), (iii) doświadczenie zdobyte na długoterminowym stażu zagranicznym.

VII. Konkurs zostanie rozstrzygnięty najpóźniej do dnia **20.06.2024 r.**

VIII. Zatrudnienie odbędzie się zgodnie z przepisami Kodeksu Pracy.

- **Pozycja dostępna od zaraz (w zależności od rozstrzygnięcia konkursu).**
- **Pozycja na okres 44 miesiące z możliwością przedłużenia.**
- **Przewidziane wynagrodzenie wynosi orientacyjnie ok. 11667 zł/msc (całkowity koszt wynagrodzenia, ok. 9600 zł brutto/msc).**

Dodatkowych informacji może udzielić:

dr Katarzyna Klonowska
Zakład Genetyki Nowotworów
Instytut Chemii Bioorganicznej PAN
ul. Noskowskiego 12/14
61-704 Poznań
Tel. 61 8528503 , wew. 1273
e-mail: kklonowska@ibch.poznan.pl

Klauzula informacyjna:

Zgodnie z treścią art. 13 rozporządzenia Parlamentu Europejskiego i Rady (UE) 2016/679 z dnia 27 kwietnia 2016 r. w sprawie ochrony osób fizycznych w związku z przetwarzaniem danych osobowych i w sprawie swobodnego przepływu takich danych oraz uchylenia dyrektywy 95/46/WE (ogólne rozporządzenie o ochronie danych), zwanego dalej RODO, informujemy, że:

1. *Administratorem zebranych danych osobowych jest Instytut Chemii Bioorganicznej Polskiej Akademii Nauk w Poznaniu adres: ul. Z. Noskowskiego 12/14, 61-704 Poznań; REGON 000849327 NIP 777-00-02-062 (zwanego w dalszej części Instytutem).*
2. *Administrator wyznaczył Inspektora Ochrony Danych, z którym można się kontaktować pisemnie, za pomocą poczty tradycyjnej pisząc na adres: Inspektor Ochrony Danych, Z. Noskowskiego 12/14, 61-704 Poznań lub wysyłając e-mail na adres: dpo@ibch.poznan.pl*
3. *Dane osobowe przetwarzane są w celu realizacji zadań administratora związanych z przeprowadzeniem rekrutacji na wolne stanowisko.*
4. *Podstawą prawną przetwarzania danych stanowi ustawa z dnia 26 czerwca 1974 roku – Kodeks pracy, ustawa z dnia 30 kwietnia 2010 roku o Polskiej Akademii Nauk lub zgoda osoby, której dane dotyczą.*
5. *Państwa dane zgromadzone w obecnym procesie rekrutacyjnym będą przechowywane przez okres 3 miesięcy od momentu rozstrzygnięcia procesu rekrutacji. Po tym okresie dane osobowe zostaną skutecznie zniszczone.*
6. *Państwa dane osobowe nie będą przekazywane do kraju trzeciego.*
7. *Osobie, której dane są przetwarzane przysługuje prawo:*
 - dostępu do treści swoich danych osobowych, żądania ich sprostowania lub usunięcia, na zasadach określonych w art. 15 – 17 RODO;*
 - ograniczenia przetwarzania danych, w przypadkach określonych w art. 18 RODO;*
 - przenoszenia danych, na zasadach określonych w art. 20 RODO;*
 - cofnięcia zgody w dowolnym momencie bez wpływu na zgodność z prawem przetwarzania, którego dokonano na podstawie zgody przed jej cofnięciem;*
 - wniesienia skargi do Prezesa Urzędu Ochrony Danych Osobowych.*

Podanie danych osobowych w zakresie wynikającym z art. 22(1) ustawy z dnia 26 czerwca 1974 r. – Kodeks pracy, jest obowiązkowe, podanie danych w zakresie szerszym jest dobrowolne i wymaga wyrażenia zgody na ich przetwarzanie.

